

刺槐根系可溶性蛋白 SDS-PAGE 分离方法的改进

陈明涛,赵忠*,权金娥

(西北农林科技大学 西部环境与生态教育部重点实验室,陕西 杨陵 712100)

摘要:在利用常规 SDS-PAGE 方法分离刺槐根系可溶性蛋白的过程中,将样品处理液中的 SDS、 β -巯基乙醇、丙三醇的含量均增加 50%。这样改进后的方法得到了分离效果明显较常规方法好的电泳图谱。经分析得出:常规 SDS-PAGE 方法中样品处理液的 SDS 和 β -巯基乙醇浓度不足以充分溶解刺槐根系中的可溶性蛋白,丙三醇的浓度也不足以将样品很好地沉聚于点样槽底部。该试验为植物组织可溶性蛋白的 SDS-PAGE 分离提供了一套效果较好的参考方法。

关键词:刺槐根系;可溶性蛋白;SDS-PAGE;改进

中图分类号:S792.27 **文献标志码:**A **文章编号:**1001-7461(2011)01-0128-03

Methodological Improvement of Separating Soluble Protein by
SDS-PAGE from *Robinia pseudoacacia* Root

CHEN Ming-tao, ZHAO Zhong*, Quan Jin-e

(Key Laboratory of Environment and Ecology in Western China, Ministry of Education,
Northwest A & F University, Yangling, Shaanxi 712100, China)

Abstract: An improvement was made in the conventional method SDS-PAGE for separating soluble protein from the roots of *Robinia pseudoacacia* by increasing the content of SDS, β -mercaptoethanol and glycerine to 50%. The separating effect of improved method was much better than the conventional one. Causes of the improvement were discussed: in the conventional method, the concentrations of SDS and β -mercaptoethanol were not high enough to completely dissolve the soluble protein, and the concentration of glycerine was also not high enough to precipitate the sample.

Key words:*Robinia pseudoacacia* root; soluble protein; SDS-PAGE; improvement

根系在植物生长过程中起着关键的作用。近年来,对根系的研究已成热点^[1-3]。水分胁迫条件下根系可产生干旱诱导蛋白^[4]。蛋白质 SDS-PAGE 技术的发展为根系干旱诱导蛋白的研究提供了有力的工具。常规 SDS-PAGE 方法对植物组织可溶性蛋白均有较好的分离效果^[5-9],但本试验用常规方法分离刺槐(*Robinia pseudoacacia*)根系可溶性蛋白时发现上样时样品不能很好的沉聚于点样槽底部,最终得到的电泳图谱效果不好(图 1)。因此作者通过分析,对常规方法做了改进,旨在为植物根系可溶性蛋白的 SDS-PAGE 分离提供一套效果较好的参考方法。

1 材料与方法

1.1 供试材料

2009 年 7 月下旬,于西北农林科技大学林学院苗圃选择生长健壮、植株大小基本一致的刺槐 2 a 生苗木,取根尖部位约 2~3 cm 长的细根,液氮研磨,保存于-70℃冰箱。

1.2 可溶性蛋白的提取

提取缓冲液: 0.062 mol · L⁻¹ Tris-HCl (pH6.8), 0.5% SDS, 10% 甘油, 5% β -巯基乙醇, 1 mol · L⁻¹ PMSF(酒精助溶, 现用现配); 上样缓冲液(与常规方法不同, 见表 1): 0.01 mol · L⁻¹

收稿日期:2010-01-04 修回日期:2010-03-11

基金项目:国家自然科学基金项目(30671673)

作者简介:陈明涛,男,硕士,主要从事干旱生理方面研究。E-mail: 312046922@qq.com

* 通讯作者:赵忠,男,教授,博士生导师,主要从事半干旱地区植被恢复与重建研究。E-mail: zhaozh@nwafu.edu.cn

(pH6.8), 7.5% β-巯基乙醇, 3% SDS, 15% 甘油, 0.02% 溴酚蓝。

表 1 SDS、β-巯基乙醇、丙三醇使用量比较

Table 1 Comparison of application amount of SDS,

β-mercaptoethanol and glycerine /%

名称	常规使用量	改进后使用量
SDS	2(W/V)	3.0(W/V)
β-巯基乙醇	5(V/V)	7.5(V/V)
丙三醇	10(V/V)	15.0(V/V)

提取过程:称取 0.5 g 刺槐根系样品,加入液氮充分研磨,转入 50 mL 离心管。加入 10 mL 提取缓冲液,摇匀后 -4℃ 放置 2 h。4℃ 12 000 g 离心 20 min, 取上清, 加满 -20℃ 预冷丙酮, 摆匀, -20℃ 放置 1 h 沉降蛋白。4℃ 5 000 g 离心 10 min, 倒掉上清液, 加入少量 -20℃ 丙酮, 将沉淀捣碎, 转入 2 mL 离心管, 4℃ 5 000 g 离心 10 min。倒掉上清液, 再用 -20℃ 丙酮将沉淀清洗一次, 以尽量去除沉淀中非蛋白物质。之后沉淀在 -20℃ 放置 20 min, 使丙酮完全挥发。用 200 μL 上样缓冲液溶解沉淀, 1 h 后沸煮 5 min, 4℃ 12 000 g 离心 20 min, 留上清液, -20℃ 保存。

1.3 电泳过程

本实验采用 BIO-RAD 垂直板电泳槽。分离胶浓度 13.5%, 浓缩胶浓度 5%。

电极缓冲液:含 0.1% SDS、0.384 mol·L⁻¹ 甘氨酸的 0.05 mol·L⁻¹ Tris-HCl(pH8.3)。凝胶贮备液(W/V):浓缩胶 10% Arc-0.5% Bis、分离胶 30% Arc-0.8% Bis。浓缩胶缓冲液:0.5 mol·L⁻¹ Tris-HCl(pH6.8)。分离胶缓冲液:1.5 mol·L⁻¹ Tris-HCl(pH8.8)。

蛋白 Mark 由 14.4 kD、20.0 kD、26.0 kD、33.0 kD、45.0 kD、66.2 kD、94.0 kD 七种分子量的蛋白质组成。上样量 10 μL, 电泳时间 12 h。浓缩胶电压 80 V, 分离胶 120 V。

1.4 染色与脱色

染色液:含 0.1% (W/V) 考马斯亮兰 R250, 50% (V/V) 甲醇、10% (V/V) 冰醋酸和 40% 蒸馏水, 染色时间 4 h。脱色液:含 5% 甲醇、7% 冰醋酸和 88% 蒸馏水, 脱色时间 5 h。

2 结果与分析

两种方法所得的电泳图谱效果差异很明显(图 1、图 2)。图 1 的条带拖尾严重,而图 2 条带效果较好。在其他试验条件一致的情况下,增加样品处理液中 SDS、β-巯基乙醇、丙三醇的含量对结果的影响很明显。

图 1 常规方法得到的刺槐根系可溶性蛋白 SDS-PAGE 图谱

Fig. 1 SDS-PAGE electrophoresis patterns of soluble protein of *Robinia pseudocacia* root by regular method

图 2 改进方法得到的刺槐根系可溶性蛋白 SDS-PAGE 图谱

Fig. 2 SDS-PAGE Electrophoresis patterns of soluble protein of *Robinia pseudocacia* root by improvement method

在蛋白质溶解中, SDS 可使蛋白质的氢键、疏水键打开,引起蛋白质构象的变化;β-巯基乙醇可将蛋白质分子中的二硫键还原,使多肽分成单个亚单位。二者因此与蛋白质形成一种复合物。SDS 是一种阴离子去污剂,在水溶液中以单体和分子团的形式存在。单体的浓度与 SDS 总浓度、离子强度及温度有关,为了使单体与蛋白质结合形成 SDS-蛋白质复合物,需要降低离子强度来增加单体的浓度^[10-11]。当 SDS 单体浓度大于 1 mmol·L⁻¹ 时,大多蛋白平均结合比为 1.4 gSDS : 1 g 蛋白。由于 SDS 带有大量负电荷,当其与蛋白质结合时,所带的负电荷大大超过了天然蛋白质原有的电荷,因而消除和遮掩了不同种类蛋白质间原有电荷的差异,使蛋白质带有相同密度的负电荷,因而其在电场中

的运动只和蛋白质大小有关,因而可将不同大小分子量的蛋白质分离开。在蛋白质没有充分溶解的条件下,由于蛋白质的凝聚颗粒在电泳过程中会发生缓慢溶解,使电泳图谱的蛋白质轨迹上出现拖尾^[11](图1)。本试验整个过程均使用超纯水,尽最大可能地降低离子强度而增加SDS单体的浓度;并且增加了SDS总浓度以提高其单体的浓度;增加β-巯基乙醇浓度以弥补实验过程中其挥发引起的浓度减少,充分还原蛋白质分子的二硫键;二者的综合效果便是促使蛋白质多肽分解成单个亚单位,促进蛋白质的充分溶解。

在利用常规方法的过程中还发现,点样时样品不能很好地沉聚于点样槽底部,甚至扩散于电极缓冲液中,造成蛋白质在电泳之前在点样槽中位置的分散;而丙三醇的作用是点样时使样品溶液沉聚于点样槽底部^[11]。增加丙三醇用量后,样品便可以很好地沉聚于点样槽底部。采取以上措施后,得到了较清晰的电泳图谱(图2)。

3 结 论

常规SDS-PAGE方法的样品处理液中的SDS和β-巯基乙醇浓度不足以充分溶解刺槐根系中的可溶性蛋白;点样时丙三醇的浓度也不足以将样品很好地沉聚于点样槽底部。将SDS、β-巯基乙醇、丙三醇的含量增加了常规含量的50%后,以上问题得以解决,最终得出较理想的电泳图谱,为植物根系可溶性蛋白的SDS-PAGE分离提供了一套效果较好的参考方法。

参 考 文 献:

- [1] 李文华, 刘建军, 康博文. 叶面喷施ALA对几种苗木根系形态的影响[J]. 西北林学院学报, 2010, 25(1): 90-94.
LI W H, LIU J J, KANG B W. Effects of foliar spraying ALA on root morphology of seedlings of several species[J]. Journal of Northwest Forestry University, 2010, 25(1): 90-94.
- [2] 柴成武, 徐先英, 唐卫东, 等. 石羊河流域荒漠区主要固沙植物根系研究[J]. 西北林学院学报, 2009, 24(4): 21-26.
- [3] 朱维琴, 吴良欢, 陶勤南. 作物根系对干旱胁迫逆境的适应性研究进展[J]. 土壤与环境, 2002, 11(4): 430-433.
ZHU W Q, WU L H, TAO Q N. Advances in the studies on crop root against drought stress[J]. Soil and Environmental Sciences, 2002, 11(4): 430-433.
- [4] 张宏一, 朱志华. 植物干旱诱导蛋白研究进展[J]. 植物遗传资源学报, 2004, 5(3): 268-270.
ZHANG H Y, ZHU Z H. Research progress in drought-induced proteins in plants[J]. Journal of Plant Genetic Resources, 2004, 5(3): 268-270.
- [5] 王延华, 邹晓莉. 蛋白质理论与技术[M]. 北京:科学出版社, 2005: 108-110.
- [6] 许晓岗, 王俊, 童丽丽, 等. 垂丝海棠插穗生根与可溶性蛋白和激素变化的关系[J]. 北方园艺, 2008(1): 107-111.
XU X G, WANG J, TONG L L, et al. Studies on changes of soluble proteins in the cuttings rooting of malus halliana roehne [J]. Northern Horticulture, 2008(1): 107-111.
- [7] 徐民俊, 刘桂茹, 杨学举, 等. 冬小麦品种干旱诱导蛋白的研究[J]. 河北农业大学学报, 2002, 25(4): 11-15.
XU M J, LIU G R, YANG X J, et al. The study of drought induced protein of winter wheat cultivars[J]. Journal of Agricultural University of Hebei, 2002, 25(4): 11-15.
- [8] 郭红彦, 谭鹏鹏, 吴青霞, 等. 银杏营养贮藏蛋白质的SDS-聚丙烯酰胺凝胶电泳研究[J]. 山西农业大学学报:自然科学版, 2007, 27(01): 16-20.
GUO H Y, TAN P P, WU Q X, et al. Study on VSPs in *Ginkgo Biloba* by the technology of SDS-PAGE [J]. Journal of Shanxi Agricultural University:Natural Science Edition, 2007, 27(01): 16-20.
- [9] 郭红彦, 吴青霞, 彭方仁. 银杏枝条营养贮藏蛋白质的组分及动态变化[J]. 林业科学, 2009, 45(3): 24-28.
GUO H Y, WU Q X, PENG F R. Components and dynamics of vegetative storage proteins in the branch of *Ginkgo biloba* [J]. Scientia Silvae Sinicae, 2009, 45(3): 24-28.
- [10] 何忠效. 生物化学实验技术[M]. 北京: 化学工业出版社, 2004: 204-205.
- [11] 杨建雄. 生物化学与分子生物学[M]. 北京: 科学出版社, 2002: 137.

重要更正启事

本刊2009年第4期发表的《保定市城市绿地系统规划探析》一文,因第一作者将第二作者姓名误写为“张红艳”,正确的应为“张洪燕”。特此说明更正。